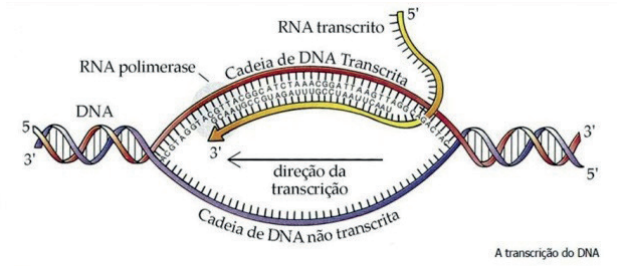
Para que ocorra síntese de proteínas é necessário que aconteça dois processos, a transcrição, que consistes na cópia de uma parte específica do DNA, onde se encontram as informações necessárias para a produção de determinada proteína, e a tradução que consiste na leitura da informação contida na cópia feita a partir do DNA.

TRANSCRIÇÃO

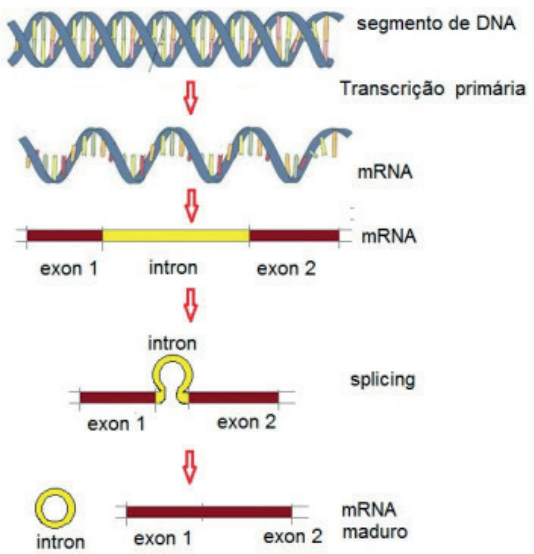
Nesse processo cria-se uma cópia específica do DNA, chamada de RNAm (mensageiro), onde estão contidas as informações para a produção de determina proteína, sendo as enzimas RNA polimerases responsáveis por esse processo.



A transcrição do DNA

https://nemtudoedefisio.wordpress.com/2017/11/11/transcricao-do-dna-e-funcao/

Há uma diferença importante em relação a transcrição ocorrida nos procariontes e nos eucariontes, pois o DNA dos procariontes contém apenas éxons, que são regiões codificáveis do DNA, logo o RNAm formado possuirá apenas éxons, já nos eucariontes o DNA possui éxons e íntrons, sendo os íntrons regiões não codificáveis do DNA, assim quando se forma o RNAm, este possui éxons e íntrons, logo antes de ser lido deverá sofrer splicing (retirada dos ínstrons), originando o RNAm secundário.



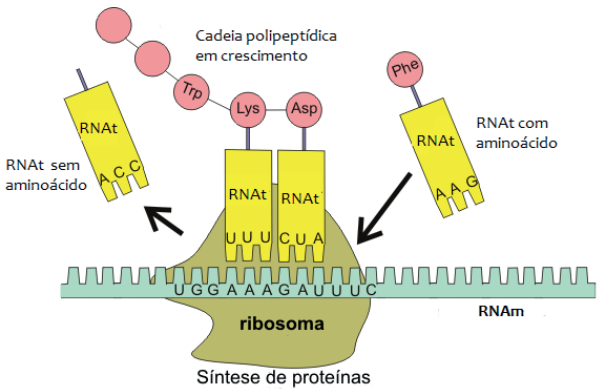
https://decaracomafisio.wordpress.com/2017/11/13/introns-e-exons-splicing/

Outra diferença é o fato de em eucariontes a transcrição ocorrer no núcleo, e nos procariontes ocorrer no citoplasma, vale destacar que em procariontes a transcrição e a tradução ocorrem simultaneamente no citoplasma, enquanto nos eucariontes, primeiro ocorre a transcrição no núcleo e posteriormente a tradução no citoplasma.

TRADUÇÃO

É o processo que consiste na leitura do RNAm para formação de proteínas através da união de aminoácidos, para que ocorra essa união o RNAr (ribossomo) se aproxima do RNAm e faz a leitura de três em três bases nitrogenadas, sendo cada trinca de bases responsável por codificar um aminoácido, como vários ribossomos podem se aderir a fita simultaneamente, ao final do processo várias proteínas são produzidas.

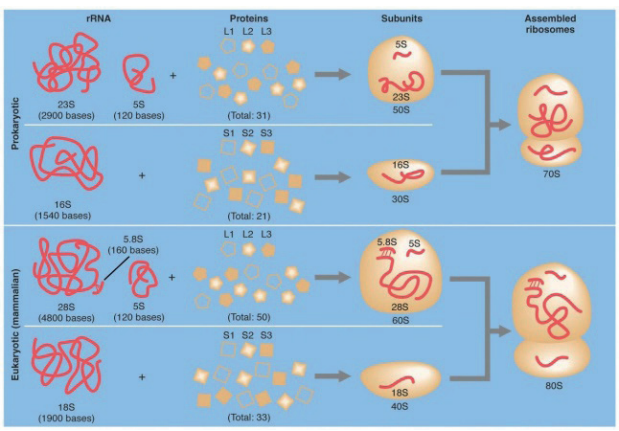
Quando o ribossomo se aproxima do RNAm, este só iniciará a leitura após encontrar o códon de iniciação, representado pela trinca AUG (aminoácido metionina), e irá parar a leitura quando identificar um dos códons de parada UAA, UAG e UGA, estes códons de parada não codificam aminoácidos.



http://romeo.if.usp.br/~browngon/03/Traducao.html

A cada trinca de bases lida pelo ribossomo codifica um aminoácido, que será transportado até o ribossomo através dos RNAt (transportadores).

Os ribossomos dos eucariontes apresentam subunidades diferentes dos ribossomos dos procariontes, assim ao utilizarmos antibióticos contra bactérias, apenas os ribossomos das bactérias serão danificados.



http://aprendendogenetica.blogspot.com/2011/04/